

Brachyspina

W poprzednim wydaniu „Hoduj z głową – bydło” ukazał się ciekawy artykuł nt. defektów genetycznych u bydła mlecznego. Zawarte w nim informacje chciałbym uzupełnić o nowo odkrytą i zdefiniowaną wadę genetyczną, noszącą nazwę brachyspina. Jej identyfikacja była możliwa dzięki użyciu selekcji genomowej i testom markerowym, przygotowanym przez uniwersytet w Liege we współpracy z uniwersytetem w Kopenhadze.

Brachyspina została opisana po raz pierwszy w 2007 r. jako pojedynczy recesywny defekt genetyczny, po-

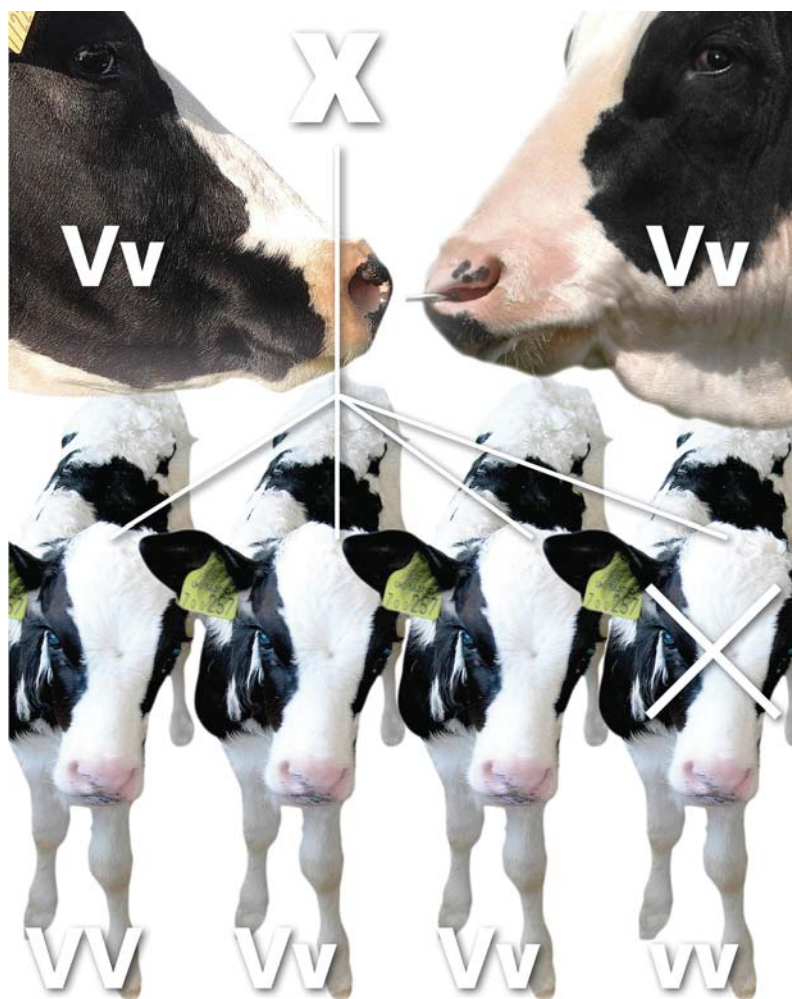
wodujący poronienia u 0,16% krów w populacji. W niewielu przypadkach wystąpienia homozygotyczności

recesywnej u płodu (warunkującej wystąpienie tej wady) ciąża przebiega normalnie, lecz cielęta rodzą się martwe. Sekcja zwłok wykazuje u tych cieląt defekty fizyczne np. skrócony rdzeń kręgowy, wydłużone kończyny czy zniekształcone organy wewnętrzne (serce, nerki). Światowa Federacja Bydła Holsztyńsko-Fryzjskiego (WHFF) dla oznaczenia nosicieli tej wady przyjęła skrót BY.

Wszyscy nosiciele brachyspiny zostali zidentyfikowani jako pochodzący od wspólnego przodka – jest nim Sweet Haven Tradition. Ten urodzony w 1974 r. buhaj utrwalił swoje miejsce w hodowli światowej jako ojciec takich znanych rozptodników jak Bis-May Tradition Cleitus, Rothrock Tradition Leadman i United Nick. Sweet H. Tradition przekazywał na potomstwo duży potencjał produkcji mleka i dobrą budowę wymion, a jego matka wyprodukowała w swoim życiu 104.848 kg mleka o zawartości 3,0% tłuszczu.

Warto być na bieżąco z nowo opisywanymi defektami genetycznymi u bydła holsztyńsko-fryzjskiego, gdyż być może wkrótce natkniemy się w katalogach buhajów na oznaczenie BY. Podobnie było z poprzednio odkrytym w 2002 r. defektem CVM, wówczas nieznanym, a dziś również w polskich katalogach można znaleźć informację o nosicielach tej choroby. Z ofert zagranicznych, kierowanych na rynek polski, nosiciele CVM zasadniczo zostali wycofani, choć warto zawsze spytać o to przedstawiciela każdej z firm oferującej nasienie. ■

Aleksander Osten-Sacken



Schemat dziedziczenia cechy recesywnej – cielę z prawej strony jest homozygotą. Taki sposób dziedziczenia, w którym do wystąpienia objawów defektu genetycznego konieczne jest wystąpienie dwóch alleli recesywnych danej cechy w formie homozygoty, jest typowy dla większości defektów genetycznych.